

Zeitschrift:	Mitteilungen aus dem Gebiete der Lebensmitteluntersuchung und Hygiene = Travaux de chimie alimentaire et d'hygiène
Herausgeber:	Bundesamt für Gesundheit
Band:	83 (1992)
Heft:	1
Artikel:	Nachweis von Weizenverunreinigungen in Nichtweizenprodukten mittels Polymerase Kettenreaktion (PCR) = Detection of wheat contamination in non-wheat products by the polymerase chain reaction (PCR)
Autor:	Allmann, M. / Candrian, U. / Lüthy, J.
DOI:	https://doi.org/10.5169/seals-982249

Nutzungsbedingungen

Die ETH-Bibliothek ist die Anbieterin der digitalisierten Zeitschriften auf E-Periodica. Sie besitzt keine Urheberrechte an den Zeitschriften und ist nicht verantwortlich für deren Inhalte. Die Rechte liegen in der Regel bei den Herausgebern beziehungsweise den externen Rechteinhabern. Das Veröffentlichen von Bildern in Print- und Online-Publikationen sowie auf Social Media-Kanälen oder Webseiten ist nur mit vorheriger Genehmigung der Rechteinhaber erlaubt. [Mehr erfahren](#)

Conditions d'utilisation

L'ETH Library est le fournisseur des revues numérisées. Elle ne détient aucun droit d'auteur sur les revues et n'est pas responsable de leur contenu. En règle générale, les droits sont détenus par les éditeurs ou les détenteurs de droits externes. La reproduction d'images dans des publications imprimées ou en ligne ainsi que sur des canaux de médias sociaux ou des sites web n'est autorisée qu'avec l'accord préalable des détenteurs des droits. [En savoir plus](#)

Terms of use

The ETH Library is the provider of the digitised journals. It does not own any copyrights to the journals and is not responsible for their content. The rights usually lie with the publishers or the external rights holders. Publishing images in print and online publications, as well as on social media channels or websites, is only permitted with the prior consent of the rights holders. [Find out more](#)

Download PDF: 24.02.2026

ETH-Bibliothek Zürich, E-Periodica, <https://www.e-periodica.ch>

M. Allmann, U. Candrian und J. Lüthy, Institut für Biochemie der Universität Bern, Bern

Nachweis von Weizenverunreinigungen in Nichtweizenprodukten mittels Polymerase Kettenreaktion (PCR)

Detection of Wheat Contamination in Non-Wheat Products by the Polymerase Chain Reaction (PCR)

Zoeliakie

Unter der Zoeliakie bzw. der Sprue wird eine Malabsorptionskrankheit des Dünndarms verstanden, welche auf einer genetisch mitbedingten Unverträglichkeit des Darms gegenüber Prolaminen des Weizens, des Roggens, der Gerste und des Hafers beruht. Es kommt zu einer Schädigung der Dünndarmschleimhaut, Zottentrophie, und daraus folgend zu verminderter Resorptionsfähigkeit des Darms. Dies wiederum führt zu extremen, lebensbedrohenden Abmagerungen.

Weil es nach neuesten Erkenntnissen keine echte Heilung gibt, müssen konsequent die toxischen Faktoren aus der Nahrung des Zoeliakiepatienten eliminiert werden, wobei die glutenfreie Diät lebenslang eingehalten werden muss (1). Die Verfahren zur Herstellung von Diätprodukten für Zoeliakiepatienten basieren auf dem generellen Austausch der üblichen Mehle durch alternative Rohstoffe wie Mais, Reis, Soja, Hirse und Buchweizen.

Schon seit langer Zeit ist ein grosser Unterschied in der Häufigkeit der Zoeliakie zwischen der nordamerikanischen und der westeuropäischen Bevölkerung festzustellen. In den USA gilt die Zoeliakie als Rarität (2), hingegen tritt sie in Europa bei jedem tausendsten Neugeborenen auf. Studien sprechen von 1 bis 3,7 Fällen auf tausend Einwohner in Schweden, einem auf fünfhundertfünfzig Bewohner Irlands, einem auf dreihundert Westirenen (3) und 4,6 Fällen auf tausend, nicht auf Zoeliakie-verdacht endoskopierten Patienten, in Italien (4).

Als die klassischen Symptome der Zoeliakie gelten Inanition, Diarrhoe und Steatorrhoe (Fettdurchfall). Der unregelmässig auftretende chronische Durchfall ist für 54% der Patienten typisch (5). Der Verdacht, dass Schwachformen von Zoeliakie und Diätfehler zu bösartigen Tumoren führen können, wurde 1990

statistisch bestätigt. Eine retrospektive Untersuchung des Kantonsspitals Winterthur (6) ermittelte für Zoeliakiepatienten ein um 25- bis 250fach erhöhtes Risiko gegenüber der Normalbevölkerung bezüglich der Entwicklung eines Adenokarzins im Dünndarm.

Prolaminnachweis in «glutenfreien» Produkten

Um die Therapie von Zoeliakiepatienten erfolgversprechend zu gestalten, müssen alle toxischen Faktoren, Gliadine des Weizens und des Hafers, Secaline des Roggens und Hordeine der Gerste, aus der Nahrung entfernt werden.

Die 1988 vom Codex Alimentarius Committee für Ernährung und diätetische Lebensmittel vorgeschlagene Maximalmenge von 1 mg Prolamin pro 100 g Trockenmasse für «glutenfreie» Produkte kann weder von der getreideprodukteverarbeitenden Industrie, die 30 mg pro 100 g Trockenmasse fordert, eingehalten werden noch mit einer vom obenerwähnten Codex-Komitee vorgeschlagenen Nachweismethode für verarbeitete und teilweise hydrolysierte Getreideprodukte befriedigend nachgewiesen werden. Die Nachweisgrenze liegt bei 1,5 mg pro 100 g Trockengewicht (7).

Bestimmung von Weizenverunreinigungen mittels DNA-Analytik

Die Gliadine werden im Kern der Kornzellen mittels Desoxyribonukleinsäure (DNA) kodiert, transkribiert und in Proteine übersetzt. Statt die Gliadinproteine oder ihre Peptidfragmente direkt mit einem mono- oder polyklonalen enzymmarkierten Antikörper nachzuweisen, werden ihre entsprechenden, von einigen Weizen bekannten DNA-Sequenzen mittels DNA-Analytik identifiziert. Diese Analytik korreliert folglich nicht mit der zoeliakiespezifischen Toxizität der Gliadinpeptidfragmente, sondern detektiert nur eine mögliche Weizenkontamination eines Nichtweizenproduktes. Daher eignen sich prinzipiell auch andere als die Gliadin-gene für die DNA-Analytik.

Der Vorteil der DNA-Analytik gegenüber den immunochemischen Methoden liegt in der höheren Sensitivität und der Druck- und Hitzestabilität des Zielmoleküls, DNA, die auch Analysen erhitzter oder verarbeiteter Produkte erlaubt.

DNA-Analytik mit der Polymerase Chain Reaction (PCR)

Polymerase Chain Reaction (PCR) ist eine *in vitro* Klonierungsmöglichkeit von DNA-Sequenzen, falls Teile der DNA-Sequenz bekannt sind (8). Zwei Oligonukleotid-Primer hybridisieren je an die gegenüberliegenden Seiten einer interessie-

renden Sequenz der Ziel-DNA. In einem sich wiederholenden Zyklus bestehend aus: Denaturierung der Templat-DNA, *denaturation*, Primerhybridisierung, *primer annealing*, Synthese neuer DNA-Stränge in 5'-3'-Richtung mit den beiden Primern als *template primer*, *extension*, verdoppelt sich ungefähr die Anzahl DNA-Fragmente bzw. PCR-Produkte. Nach mehrmaliger Wiederholung dieses Zyklus entsteht eine exponentielle Akkumulation des gewünschten DNA-Fragments, weil das Syntheseprodukt des vorangehenden Zyklus als Templat für den folgenden dienen kann. Das DNA-Fragment wird durch die 5'-Enden der beiden Primer bestimmt.

Mit der Einführung der thermostabilen DNA-Polymerase vom *Thermus aquaticus* (Taq-Polymerase), welche die Denaturierungstemperatur übersteht, wird die Polymerase Chain Reaction stark vereinfacht.

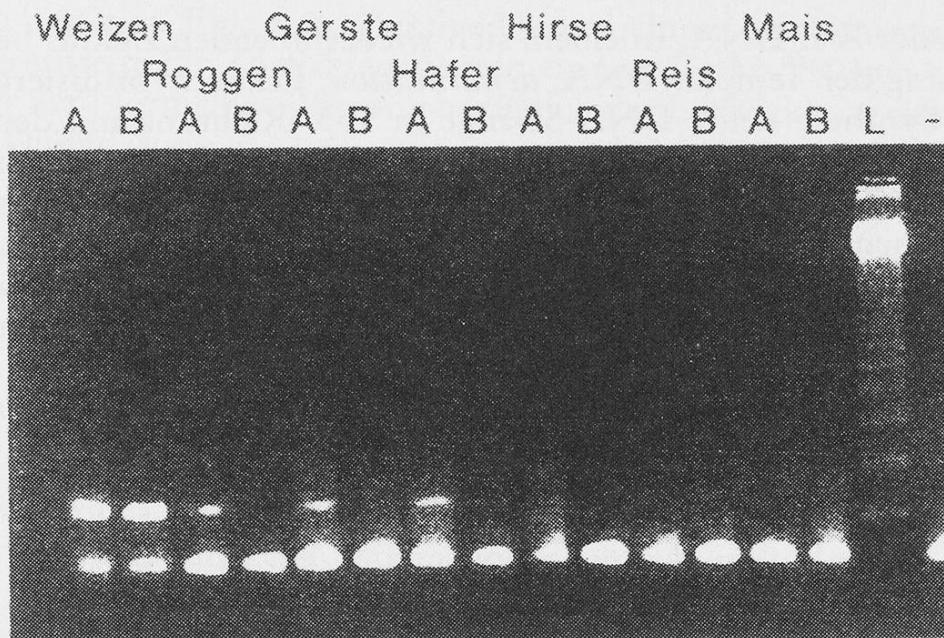
Probenvorbereitung, DNA-Extraktion

Über die Extraktion von DNA aus Getreidekörnern oder verarbeiteten Getreideprodukten ist wenig bekannt. Zur Gewinnung von Getreide-DNA für genetische Untersuchungen und rekombinanter DNA-Technologie werden nicht Körner, sondern die Keimblätter der Getreidepflanzen zur Extraktion verwendet, denn die Ausbeute ist höher und die DNA liegt in voller Länge und in undegradierter Form vor, Hoch-Molekular-Gewichts-DNA (HMG-DNA) (9).

Es wurde nun in einem ersten Schritt die Länge und Ausbeute der DNA, gewonnen aus Getreidekörnern, -mehlen und -produkten bestimmt. Es zeigte sich, dass die DNA, die aus Getreidekörnern extrahiert wurde, vergleichbar mit der aus Keimblättern ist. Sie lag in unfragmentierter, aber methylierter Form als HMG-DNA vor. Die Ausbeute pro eingesetztes Milligramm (mg) Kornprobe halbierte sich gegenüber der Extraktion aus Keimblättern von 52 auf 22 Nanogramm (ng). Die DNA extrahiert aus Mehlen ist schwach degradiert. Es liessen sich DNA-Fragmente zwischen 200–15 000 Basenpaaren (bp) finden. Die Ausbeute sank gegenüber der Extraktion aus Keimblättern auf 5 ng DNA pro mg Mehlprobe. Die aus Brot gewonnene DNA war sehr stark degradiert. Die mittlere Fragmentgrösse lag unterhalb 300 bp und die Ausbeute im Bereich der Extraktion aus Mehlen.

DNA-Analytik, Weizen-PCR

Die Zielsequenz, *gibberillin responsive gene* (10), wurde so gewählt, dass das PCR-System Weizen-DNA erfasst, die als zoeliakietoxisch verdächtigten, verwandten Getreide Roggen, Gerste und Hafer erfassen kann, hingegen die untoxischen Getreide, Reis, Hirse und Mais sowie Additive in verarbeiteten Getreideprodukten, wie Hefe, nicht erfasst. Die PCR-Fragmentlänge wurde mit 159 bp so



A: 5 mg Probe
B: 500 ug Probe

Abb. 1. PCR-Reaktionen mit DNA-Extrakten verschiedener Getreide: Aliquots der Reaktionslösung wurden elektrophoretisch auf einem 2%-Agrarosegel aufgetrennt. Fragmentgrösse 159 Basenpaare (bp) entspricht den Amplifikationsprodukten. Fragmente kleiner als 123 bp sind Reaktionsartefakte. Linie L, 123-Bp-Molekulargewichtsstandart; Linie-, Negativkontrolle. Linien A zeigen PCR-Signale genomischer Ziel-DNA, 100 ng, die 5 mg Getreideprobe entsprechen, Linien B PCR-Signale genomischer Ziel-DNA, die 0.5 mg Probe entsprechen.

definiert, dass auch die Amplifikation mit degradiertem DNA aus verarbeiteten erhitzten Getreideprodukten, wie Brot, ein detektierbares PCR-Signal ermöglicht.

Das PCR-System erzeugte, wie in der *Abbildung 1* gezeigt, mit Weizen, Roggen, Gerste und Hafer positive Signale richtiger Fragmentgrösse. Hingegen mit Hirse, Reis und Mais waren keine Signale auf der Agarosegel-Matrix sichtbar. Das Signal der 5 mg Weizenprobe, ca. 100 ng genomische Weizen-DNA, *Abbildung 1*, «Weizen»-Linie A, war ungefähr hundertmal stärker als die entsprechenden Proben von Roggen, Gerste und Hafer, *Abbildung 1*, Linien A. Die Detektionsgrenze dieses PCR-Systems lag unter 10 pg genomicscher Weizen-DNA, entsprechend 500 ng Weizenmehl. 500 mg Maisstärke, die künstlich mit 0,1% Weizenmehl verunreinigt war, *Abbildung 2*, Linie D, lieferte noch ein positives PCR-Signal richtiger Fragmentgrösse. Stark degradierte DNA aus 500 mg Halbweissbrot gab ungefähr ein gleich starkes Signal, *Abbildung 2*, Linie W, wie schwach degradierte DNA aus 500 mg Weizenmehl, *Abbildung 2*, Linie A. Als Proben von weizenfreien, für Zoeliakiekranke empfohlenen Produkten untersucht wurden, konnte eine Mehlmischung bestehend aus Reis- und Maisstärke gefunden werden, *Abbildung 2*, Linie M, die mit Weizen oder den verwandten zoeliketoxischen Getreiden verunreinigt war. Dieser Befund konnte mit immunochemischen Methoden (11) bestätigt werden.

% Weizenmehl in Maizena

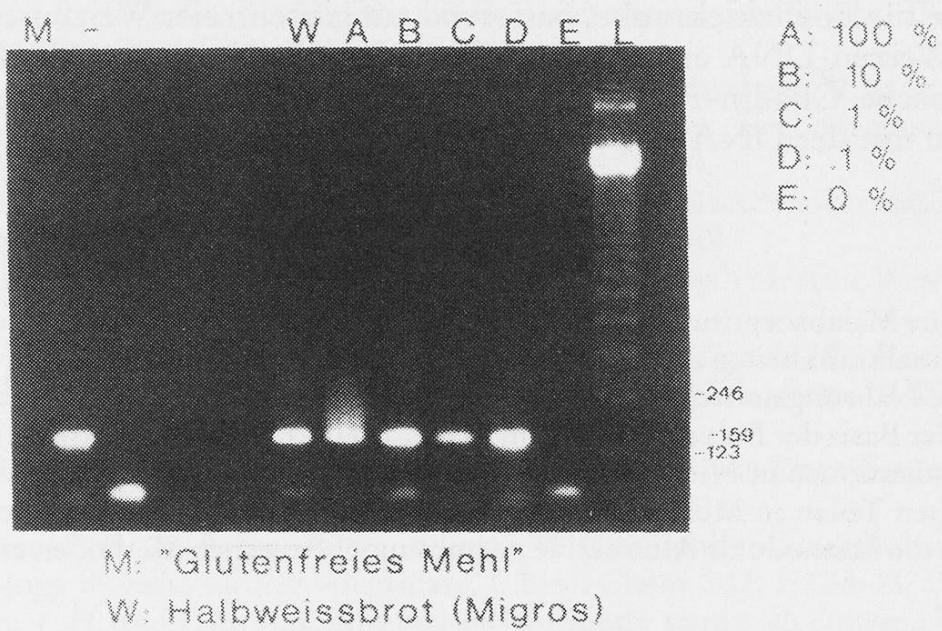


Abb. 2. PCR-Reaktionen mit DNA-Extrakten verschieden kontaminiertem Maisstärke, Brot und einem für Zoeliakiepatienten empfohlenen Mais- und Reisstärkemehl: Aliquots der Reaktionslösung wurden elektrophoretisch aufgetrennt. Amplifikationsprodukte, 159 bp Linie L, 123-bp-Molekulargewichtsstandard; Linien-, Negativkontrollen. Linien A-E zeigen PCR-Signale 1 µg genommischer DNA gewonnen aus Maisstärke (Maizena), die mit Weizenmehl verschieden stark kontaminiert ist; Linie W zeigt das Amplifikationsprodukt von 1 µg DNA extrahiert aus Brot (Halbweissbrot) und Linie M von 1 µg DNA extrahiert aus glutenfreiem Mehl, basierend auf Reis- und Maisstärke.

Diskussion

Weizenverunreinigungen in Nicht-Weizenprodukten können mit der Polymerase Chain Reaction (PCR) nachgewiesen werden. Das hier vorliegende PCR-System kann nicht nur mit Weizen positive Signale erzeugen, sondern auch mit den verwandten zoeliakietoxischen Getreiden Roggen, Gerste und Hafer. Durch Änderung der Reaktionsbedingungen, höhere Annealingtemperatur, kann das PCR-System aber so verändert werden, dass es nur noch Weizen und keine anderen Getreidearten erfasst. Diese Änderung vermindert dagegen die Sensitivität um ein bis zwei Größenordnungen. Die Fragmentierung der Getreide-DNA im Mahl- und Backprozess hat kaum einen Einfluss auf die Amplifizierbarkeit in der PCR-Reaktion, im Gegensatz zu immunochemischen Methoden (11), deren Zielmoleküle, Proteine, durch diese Verarbeitungsprozesse fragmentiert und denaturiert werden, was mit zunehmendem Verarbeitungsgrad der Produkte die zu Grunde liegende Antigen-Antikörper-Reaktion verunmöglicht. Zudem ist die Sensitivität der

DNA-Analytik mittels PCR-Reaktion gegenüber den immunochemischen Methoden um ungefähr zehn- bis hundertmal erhöht.

Diätprodukte für Zoeliakiekranke, basierend auf glutenfreier Weizenstärke, die ja immer noch Weizen-DNA enthält, oder Produkte mit Glutenzusätzen, welche die zoeliakietoxische Gliadin-Proteinfraktion enthalten, hingegen Weizen-DNA frei sind, können mit der DNA-Analytik nicht untersucht werden.

Zusammenfassung

Zoeliakie ist eine Malabsorptionskrankheit des Dünndarms, welche zu den meistverbreiteten Gastrointestinalkrankheiten gehört. Die Symptome der Zoeliakie entwickeln sich nach der Aufnahme von Nahrungsmitteln, die Weizen, Roggen, Gerste oder Hafer enthalten. Wir entwickelten auf der Basis der Polymerase Chain Reaction (PCR) ein DNA-Analytiksystem, das Weizenkontaminationen in Nichtweizenprodukten feststellen kann. Da diese Kontaminationen zu gleichen Teilen in Mehl wie in verarbeiteten Produkten, wie Brot, feststellbar waren, würde sich die Methode als Alternative zu immunochemischen Methoden empfehlen.

Résumé

La maladie coeliaque (MC), entéropathie au gluten, est une maladie gastrointestinale fréquente chez les enfants et adultes. Les symptômes de MC sont par exemple la diarrhée ou la régression des signes anatomiques. Ils se développent après l'ingestion de denrées alimentaires qui contiennent du blé. Nous avons analysé la DNA à l'aide de la Polymerase Chain Reaction (PCR) pour détecter les contaminations de blé dans les denrées recommandées pour un régime alimentaire sans gluten. Il est possible de détecter la DNA de blé dans la farine aussi bien que dans les produits transformés, l'analyse de DNA peut donc être considérée comme méthode alternative aux méthodes immunochimiques.

Summary

Celiac disease (CD), a gluten induced enteropathy, is one of the most common chronic gastrointestinal diseases of children and adults. The symptoms of CD, like diarrhoea or poor growth, develop after ingestion of food containing wheat, rye, oat or barley. We investigated the potential of DNA analysis by the Polymerase Chain Reaction (PCR) to detect wheat contaminations in dietary non-wheat products. The target gene was the *gibberillin responsive gene* of wheat. The possibility to detect wheat DNA to the same extent in flour as well as in bakery products makes DNA analysis a possible alternative to immunochemical methods.

Literatur

1. *Hohlfeld, K. und Pietsch, H.P.*: Zu aktuellen Problemen der Zoeliakie und ihre Diätbehandlung. Ernährungsforsch. 5, 27 (1982).
2. *Stern, M.*: Neues zur Pathogenese, Diagnostik und zum Verlauf der Zoeliakie. DZG Aktuell. 1, 5-7 (1990).

3. *Mylotte, M., Egan-Mitchell, B., McCarthy, C. F. and McNicoll, B.*: Incidence of coeliac disease in the West of Ireland. *Brit. Med. J.* **1**, 703–705 (1973).
4. *Rampal, P. et Cadot, C.*: Maladie coeliaque et régime sans gluten. *Gastroenterol. Clin. Biol.* **14**, T22–T25 (1990), 741–746 (1988).
5. *Montgomery, A. M. P., Goka, A. K. J., Kumar, P. J., Farthing, M. J. G. and Clark, M. L.*: Lowgluten diet in the treatment of adult coeliac disease: effect on jejunal morphology and serum antigluten antibodies. *Gut* **29**, 1964–1968 (1988).
6. *Marsch, S. C. U., Heer, M., Sulser, H. und Hany, A.*: Das Adenokarzinom des Dünndarms bei Zoeliakie. *Schweiz. med. Wschr.* **120**, 135–141 (1990).
7. Working group on prolamin analysis and toxicity. Fourth Meeting Wassenaar, 12–14 April 1989.
8. *Saiki, R. K., Gelfand, D. H., Stoffel, S., Scharf, S. J., Higuchi, R., Horn, G. T., Mullis, K. B. and Ehrlich, H. A.*: Primer directed enzymatic amplification of DNA with a thermostable DNA Polymerase. *Science* **239**, 487–491 (1988).
9. *Rogers, S.O. and Bendich, A. J.*: Extraction of DNA from Plant tissues. *Plant Mol. Biol. Manual*. A6, 1–10, Kluwer Academic Publishers (1988).
10. *Baulcombe, D. C., Barker R. F. and Jarvis M. G.*: A gibberillin responsive wheat gene has homology to yeast carboxy-peptidase. *J. Biol. Chem.* **262**, 13728–13735 (1987).
11. *Skeritt, J. H. and Hill, A.S.*: Monoclonal antibody sandwich enzyme immunoassays for determination of gluten in foods. *J. Agric. Food. Chem.* **38**, 1771–1778 (1990).

M. Allmann
 Universität Bern
 Institut für Biochemie
 Abteilung Lebensmittelchemie
 Freiestrasse 3
 CH-3012 Bern