**Zeitschrift:** Botanica Helvetica

Herausgeber: Schweizerische Botanische Gesellschaft

**Band:** 95 (1985)

Heft: 2

Artikel: Neue Chromosomenzählungen in der Gattung Salix

Autor: Büchler, Walter

**DOI:** https://doi.org/10.5169/seals-66510

# Nutzungsbedingungen

Die ETH-Bibliothek ist die Anbieterin der digitalisierten Zeitschriften auf E-Periodica. Sie besitzt keine Urheberrechte an den Zeitschriften und ist nicht verantwortlich für deren Inhalte. Die Rechte liegen in der Regel bei den Herausgebern beziehungsweise den externen Rechteinhabern. Das Veröffentlichen von Bildern in Print- und Online-Publikationen sowie auf Social Media-Kanälen oder Webseiten ist nur mit vorheriger Genehmigung der Rechteinhaber erlaubt. Mehr erfahren

## **Conditions d'utilisation**

L'ETH Library est le fournisseur des revues numérisées. Elle ne détient aucun droit d'auteur sur les revues et n'est pas responsable de leur contenu. En règle générale, les droits sont détenus par les éditeurs ou les détenteurs de droits externes. La reproduction d'images dans des publications imprimées ou en ligne ainsi que sur des canaux de médias sociaux ou des sites web n'est autorisée qu'avec l'accord préalable des détenteurs des droits. En savoir plus

## Terms of use

The ETH Library is the provider of the digitised journals. It does not own any copyrights to the journals and is not responsible for their content. The rights usually lie with the publishers or the external rights holders. Publishing images in print and online publications, as well as on social media channels or websites, is only permitted with the prior consent of the rights holders. Find out more

**Download PDF:** 16.10.2025

ETH-Bibliothek Zürich, E-Periodica, https://www.e-periodica.ch

# Neue Chromosomenzählungen in der Gattung Salix

## Walter Büchler

Flurystraße 12, CH-8620 Wetzikon

Manuskript angenommen am 26. Juni 1985

# **Abstract**

Büchler W. 1985. New chromosome counts in Salix. Bot. Helv. 95: 165-175.

Eighteen species, hybrids or populations of Salix were cytologically investigated. Thirteen chromosome numbers were found which have not yet been known for the respective species. The newly determined numbers for S. serpyllifolia Scop. and S. kitaibeliana Willd. help to clear the relationship within the section retusae. For S. hegetschweileri Heer two new chromosome numbers were found which support the hybrid theory of Heinrich Oberli about the origin of this species. The new results for S. glabra Scop., S. crataegifolia Bert., S. bicolor Willd. and a hybrid population of S. nigricans Smith will help in further studies about relationships around the nigricans and phylicifolia group of species. The results outlined in the present paper show the unique possibilities provided by a collection of well identified living plants as in the Salicetum Oberli at Wattwil.

# **Einleitung**

Die zytologischen Verhältnisse bei Salix wurden schon früh von verschiedenen Autoren untersucht. Blackburn und Harrison (1924), Wilkinson (1941, 1944), Håkansson (1955) und andere untersuchten Pflanzenmaterial aus England und Schweden. Erst 1972 folgten Neumann und Polatschek mit Resultaten aus dem Alpenraum und südlicheren Gebieten. Den Anstoß für eigene Zählungen erhielt ich zuerst von dem im Frühjahr 1983 verstorbenen Weidenkenner Heinrich Oberli in Wattwil. Seine einzigartige Pflanzensammlung birgt eine Fülle von Anschauungs- und Untersuchungsmaterial zu den wichtigsten Salix-Problemen der europäischen Flora. Herr Prof. P. Paiero, Padua, sandte mir eine Liste der bis dahin noch nicht untersuchten Salix-Arten des Alpenraumes und Italiens. Auf seine Anregung gehen die interessanten Resultate über S. serpyllifolia und S. kitaibeliana zurück. Schließlich wurden noch zahlreiche Untersuchungen an Arten, Unterarten und Populationen gemacht, welche mir durch Heinrich Oberlis Arbeit als besonders kritisch bekannt waren. Dieser Teil der Arbeit ist noch nicht abgeschlossen. Mit der Veröffentlichung der bisherigen Resultate sollen Botaniker auf die einzigartige Möglichkeit aufmerksam gemacht werden, welche das Salicetum Oberli für solche Untersuchungen vorläufig noch bietet. Die Untersuchung kritischer Arten wie S. nigricans, S. phylicifolia, S. hegetschweileri und S. bicolar überfordern die zeitlichen, instrumentellen und wohl auch fachlichen Möglichkeiten eines Amateurs. Der Zweck dieses Berichtes wäre erfüllt, wenn Fachleute und interessierte Laien die Pflanzung, das Herbar und die anderen Unterlagen vermehrt für wissenschaftliche Salix-Studien benutzen würden. Der große Arbeitsaufwand für den Unterhalt einer solchen Pflanzung kann auf lange Sicht nur erbracht werden, wenn sie auch einen praktischen Sinn erfüllen kann.

Tab. 1. Resultate der Chromosomenzählungen

Name und Pflanzen-Nr.*	Chromosomenzahl			ursprüngliche Herkunst
	n	2n	gerundeter Wert (bezogen auf x = 19)	
S. babylonica L. Ob: babyl 1 &	36, 37, 38	63, 72	2n= 76	Nepal–Himalaya, Langtang-Tal, 3450 m
S. serpyllifolia Scop Bü: ser 1 ♀	).	36, 40, 41	2n = 38 (neu)	Engadin, Isola-Delta,
Ob: R 1 ♀		38 (3×)	2n = 38 (neu)	Silsersee, 1810 m Glarnerland, Foopaß, Foostöckli, 2300 m
S. retusa L. Bü: ret 1 9	.1	111	2n = 114	Appenzell, Kronberg, 1470 m
S. kitaibeliana Will Ob: kit 3 రే	d. 74, 77, 78	130, 140	2n = 152  (neu)	CSSR, Ostra-Tatra, Mlynicy-Tal, 1710 m
S. hegetschweileri F	Heer			
Ob: Heg 6 \( \text{P} \) Ob: R 1 III \( \text{P} \) Bü: heg 6 \( \text{P} \) Bü: (im Anzuchtbeet)		78 67, 73, 84 81(?), 99(?) 91, 95	2n = 76 2n = 76 2n = 95 (?) 2n = 95 (neu)	Urserental, Schmidigen, 1500 m Urserental, Andermatt, 1440 m Tirol, Paznaunertal, 1700 m Urserental, Schmidigen, 1500 m
Ob: R 1 I ♀ Bü: heg 5 ♂	57, 58	100 (?)	2n = 95 (?) 2n = 114 (neu)	Urserental, Andermatt, 1440 m Tirol, Paznaunertal, 1700 m
Bü: (Mat. direkt vom urspr. Standort)	0.00 10 2 000	121	2n = 114  (neu)	Urserental, Schmidigen, 1500 m
Ob: Heg 12 ♂ Ob: Heg 9 ♂	56, 56, 57 56, 57, 58		2n = 114 (neu) 2n = 114 (neu)	Wallis, Gletschboden, 1770 m Urserental, Schmidigen, 1510 m
S. bicolor Willd.				
Ob: Bic 8 ♂	57, 59, 59	≥ 106	2n = 114  (neu)	Zentral-Westpyrenäen,
Ob: Bic 9 ♂	56, 57, 58		2n = 114 (neu)	Col d'Aubisque, 1650 m Andorra, 2210 m
S nioricans Valses	rino <sup>66</sup>			Cirque des Pesson, 2210 m
S. nigricans ,, Valser Ob: N. Vs 2 9	ine	77, 80	2n = 76  (neu)	Franz. Jura, Valserine, 1120 m
Ob: N. Vs 3 9		79, 80	2n = 76  (neu) 2n = 76  (neu)	Franz. Jura, Valserine, 1120 m Franz. Jura, Valserine, 1120 m
Ob: N. Vs 8 ♂	56, 56, 57	o so g ososti	2n = 114	Franz. Jura, Valserine, 1160 m

Tab. 1. (Fortsetzung)

Name und Pflanzen-Nr.*	Chromosomenzahl			ursprüngliche Herkunft
	n	2n	gerundeter Wert (bezogen auf x = 19)	
S. nigricans Smith Ob: N. no 7 & Bü: (Mat. direkt vom urspr. Standort)	53, 56, 57 55, 56, 57		2n = 114 2n = 114	Toggenburg, Wattwil, 620 m Kt. Zürich, Gossau, Grüt, ca. 600 m
S. crataegifolia Bert Ob: R 1 రే	18, 18, 19		2n= 38 (neu)	Apuanische Alpen,
Ob: R 5 ♀		36, 36, 38	2n = 38 (neu)	Orto di Donna, 1400–1500 m Apuanische Alpen, Pania Croce, 1550 m
S. × rugulosa Ander Bü: aur × myr 1 ♂ Bü: aur × myr 2 ♀	rsson 19	36, 39	2n = 38 (neu) 2n = 38 (neu)	Toggenburg, Camperfin, 1325 m Toggenburg, Riet Müselen, 1300 m
S. arenaria L. Bü: are 1 ♂	19 (3×)		2n = 38	Oberli, urspr. Herkunft nicht mehr feststellbar
S. waldsteiniana Wi Bü: wal 1 & S. hastata L.	lld. 19 (3×)		2n = 38	Appenzell, Kronberg, 1500 m
Bü: has 1 ♀ Bü: has 2 ♂		37, 38 38, 39	2n = 38 $ 2n = 38$	Urserental, Schmidigen, 1510 m Pfl. des Klons "Wehrhanii",
Bü: has 4 ♀ S. glabra Scop.		35	2n = 38	Gartenhandel Wallis, Gletschboden, 1700 m
Ob: glb 6 ਹੈ	54, 55, 57, 5	7	2n = 114  (neu)	Tessin, Val Colla,
Ob: glb1 ♂	56, 57, 57		2n = 114  (neu)	Fojorinapaß, 1650 m Tessin, Cima del Oress, ca. 1650 m
S. cordata Mühlenbe Bü: cor 1 &	erg 19 (4×)	34, 34, 38	2n= 38 (neu)	Kt. Zürich, Schwerzenbach, alte Kulturweide
S. helvetica Vill. Ob: R 1 ♀		38, 38, 39	2n= 38 (neu)	wahrscheinlich Gr. St. Bernhard, 2000 m
Ob: hlv 5 ♂ Ob: hlv 7 ♂	19	36, 38	2n = 38 (neu) 2n = 38 (neu)	Albula-Nordflanke, 2250 m Aletschgletscher, 2200 m
S. $\times$ peloritana Pres Ob: pelor $\delta$	1.	34, 38	2n= 38 (neu)	Sizilien, Lido di Mortelle, Monti Peloritani
S. hylematica Schne Bü: hyl 1 ♂	ider	37	2n= 38 (neu?)	Gartenhandel (Nepal?)

<sup>\*</sup> Die Pflanzen-Nr. ermöglicht das Auffinden der Pflanzen in den beiden Anlagen in Wattwil (Ob) und Wetzikon (Bü).

Walter Büchler

## Material und Methoden

Die meisten der untersuchten Pflanzen stammen aus dem Salicetum Oberli in Wattwil SG oder aus der Pflanzung Büchler in Wetzikon ZH. Die ursprüngliche Herkunft ist in fast allen Fällen gut dokumentiert. Ebenso sind von den meisten Pflanzen Herbarbelege vorhanden.

Meiosen. – Die Metaphase der Meiosen findet bei Salix im Frühjahr zwischen Januar und April statt; z. B. im schweizerischen Mittelland an abgeschnittenen Zweigen männlicher Pflanzen bei S. daphnoides Mitte Januar, S. purpurea Anfang Februar, S. cinerea Ende Februar, S. nigricans Mitte April, S. retusa und S. glabra gegen Ende April, S. hegetschweileri Anfang bis Mitte April.

Präparation von Meiosen. – Fixierung der Antheren in Aethanol: Eisessig = 3:1, frisch angesetzt und im Kühlschrank vorgekühlt, 6–12 Std. bei 4–6°C. Färbung in Orcein-Eisessig auf dem Objektträger. Nach dem Quetschen wird 5–10 Sekunden auf etwa 80–90°C auf einer Wärmeplatte erhitzt.

Präparation von Mitosen, – Vor der Fixierung sollte das Material zur besseren Spreitung der Chromosomen für 6–8 Minuten in Wasser von 1–4 °C gelegt werden. Fixierung in Aethanol: Eisessig = 3:1 bei Zimmertemperatur während 6–24 Stunden. Mazerierung in 1n HCl während 6–8 Minuten bei 60 °C. Färbung in Orcein-Eisessig auf dem Objektträger bei ca. 95 °C während 1–1½ Minuten (Kochen vermeiden).

#### Resultate

Die Resultate der untersuchten Weidenarten sind in Tabelle 1 entsprechend der Gliederung der Gattung in Hegis "Illustrierte Flora von Mitteleuropa" (Rechinger 1981) geordnet. Aufgeführt sind jeweils die subjektiv besten Zählresultate (max. 3) sowie die auf die Basiszahl x=19 gerundeten somatischen Chromosomenzahlen. Reduzierte Zahlen (n) wurden an männlichen Meiosen, somatische Zahlen (2n) vorwiegend an Wurzelspitzen, seltener an austreibenden Blatttriebsknospen ermittelt.

## Diskussion

Dank dem großen Pflanzenangebot der Sammlung Oberli in Wattwil konnten mit der vorliegenden Arbeit einige entwicklungsgeschichtliche Fragen in der Gattung Salix geklärt oder doch einer Klärung näher gebracht werden. Das am meisten überraschende und doch zugleich einleuchtende Resultat ist die Entdeckung von zwei neuen Chromosomenzahlen in der Sektion retusae. S. serpyllifolia (2n = 38, diploid, neu), S. retusa (2n = 114, hexaploid¹) und S. kitaibeliana (2n = 152, oktoploid, neu) sind sogenannte Spalier- oder Teppichweiden. S. serpyllifolia und S. retusa kommen in den Alpen vor, letztere sogar häufig. S. kitaibeliana ist auf einige kleine Areale in den Karpaten beschränkt. Da sich die drei Arten fast ausschließlich durch die Größe ihrer Blätter und die allgemeine Wüchsigkeit unterscheiden (siehe Abb. 1), liegt der Gedanke nahe, daß sie sich in der Reihenfolge der aufsteigenden Chromosomenzahlen (S. serpyllifolia — S. retusa — S. kitaibeliana) entwickelt haben. Gleichzeitig wird klar, daß S. kitaibeliana, welche von einigen Autoren noch heute als Unterart von S. retusa aufgefaßt wird, genauso Artcharakter hat wie S. serpyllifolia. Einige Autoren geben für S. retusa einen tetraploiden Chromosomensatz mit 2n = 76 an (Váchová u. Chmelař in Löve

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup> Bereits früher bekannte Chromosomenzahlen wurden aus Löve u. Löve (1961) sowie aus der Arbeit von Neumann und Polatschek (1972) entnommen.

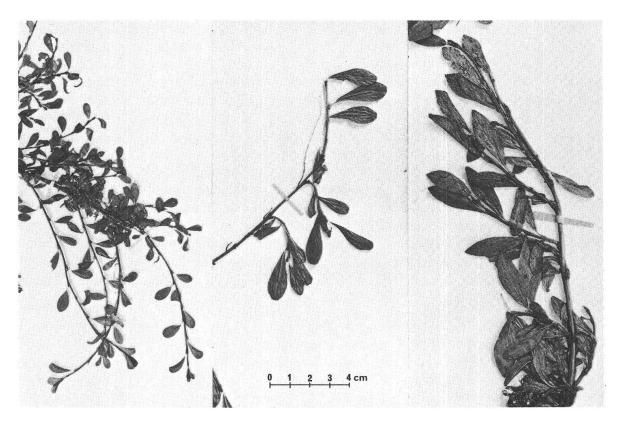


Abb. 1. Von links nach rechts: Salix serpyllifolia (2n = 38), S. retusa (2n = 114), S. kitaibeliana (2n = 152).

1976, sowie Izmaiłow 1980, beide Angaben nach Martini u. Paiero 1984). Bei diesen Exemplaren dürfte es sich nach den neuesten Erkenntnissen entweder um Bastarde S. retusa  $\times$  serpyllifolia oder, was wahrscheinlicher ist, um das entwicklungsgeschichtliche "missing link" zwischen den beiden erwähnten Arten handeln. Es wäre äußerst interessant, abzuklären, ob auch Pflanzen dieses Ploidiegrades ein eigenes Verbreitungsgebiet haben. Höhere Ploidiegrade als bei S. kitaibeliana (2n = 152, oktoploid) dürften kaum vorkommen, da bereits bei der letzteren Art überdurchschnittlich häufig Chromosomenverluste während der Meiose beobachtet wurden. Es ist deshalb auch nicht auszuschließen, daß zwischen S. retusa und S. kitaibeliana aneuploide Pflanzen mit 2n = 152 - 1, 2, 3, 4 usw. auftreten können.

S. crataegifolia weist sich mit 2n = 38 (neu) wohl als entwicklungsgeschichtlich alte Art aus. Archaisch muten auch die hängenden, an Windbestäuber erinnernden Kätzchen und die andeutungsweise gelappten Tragblätter (ähnlich wie bei Populus) an. Diese endemische Art des Apennins wurde bisher aufgrund der sich beim Trocknen schwarz verfärbenden Blätter in die Verwandtschaft zu S. mielichhoferi (2n = 114) und S. glabra (2n = 38, 76, 114) gestellt. Wie die Zählungen und die Morphologie für S. crataegifolia nun zeigen, ist diese Art entwicklungsgeschichtlich älter als die beiden anderen. (Die Zahl 2n = 38 für S. glabra ist nach Neumann u. Polatschek (1972) unglaubwürdig, da auf falsch bestimmtem Material beruhend.) S. × rugulosa (2n = 38, neu) entstand durch natürliche Kreuzung zwischen S. aurita (2n = 38) und S. myritilloides (2n = 38). Sie bildet in manchen Hochmooren kleine bis größere Bestände, so auch im

Walter Büchler

oberen Toggenburg, wo die beiden untersuchten Pflanzen ursprünglich herkommen. Während die eine Elternart, S. myrtilloides, in ganz Zentraleuropa am Aussterben ist (Oberli 1981), scheint sich der Bastard in den langsam trockener werdenden Hochmooren noch wohlzufühlen. Die Chromosomenzahl 2n = 38 zeigt, daß S.  $\times$  rugulosa durch keine chromosomal bedingte Sterilitätsbarriere von den Elternarten getrennt ist. Ihre scheinbare Eigenständigkeit kommt also wohl hauptsächlich durch ihre gegenüber den Elternarten bessere Standorteignung zustande. Für S. helvetica bestätigt die Zahl 2n = 38 (neu) die Verwandtschaft zur nordischen S. lapponum (2n = 38, 76). Für die formenreiche S. helvetica sollten weitere Zählungen (etwa an besonders üppigen Exemplaren) gemacht werden. Es ist durchaus möglich, daß auch im Alpenraum eine tetraploide Unterart vorkommt, welche von der Hauptart durch eine chromosomal bedingte Sterilitätsbarriere getrennt wäre. S. × peloritana (2n = 38, neu) gilt als Bastard S. pedicellata × purpurea. Da S. purpurea ebenfalls 2n = 38 Chromosomen hat, müßte folglich die bis heute noch nicht ausgezählte S. pedicellata Desf. die gleiche Zahl aufweisen. Dies ist einigermaßen erstaunlich, da diese Art bisher in die Verwandtschaft von S. nigricans (2n = 114) gestellt wurde.

Bei einigen Arten und Hybridkomplexen wurden neue, von älteren Angaben abweichende Zahlen gefunden. Für S. glabra bestätigt die Chromosomenzahl 2n = 114 (neu) die nahe Verwandtschaft mit S. nigricans (2n = 114), mit welcher sie z. B. auch die beim Trocknen schwarz werdenden Blätter gemeinsam hat. Frühere Zählungen hatten 2n = 38 (Håkansson, 1955) und 2n = ca. 76 (Neumann u. Polatschek, 1972) ergeben. Polatschek bezweifelt in seiner Veröffentlichung, daß Håkansson seine Untersuchung an einer richtig bestimmten Pflanze gemacht hatte. Die neuen Untersuchungen wurden an Meiosen von zwei männlichen Pflanzen vorgenommen und ergaben ein sehr genaues Resultat. In manchen Zellen traten zum Teil mehrere Multivalente auf, jedoch waren diese weniger häufig und im allgemeinen übersichtlicher als bei den hybriden Arten S. hegetschweileri und S. bicolor.

Bei S. cordata Mühlenberg wurde mit 2n = 38 eine von älteren Angaben abweichende Basiszahl gefunden. Wilkinson (1944) gibt für diese Art aufgrund seiner sehr sorgfältigen, an Schnittpräparaten vorgenommenen Untersuchungen eine Chromosomenzahl von 2n = 44 an. Nach einer von mehreren Autoren vertretenen Theorie soll die Basiszahl x = 22 durch Chromosomenbrüche aus x = 19 entstanden sein. Auf x = 22 beruhende Chromosomenzahlen wurden vereinzelt auch bei S. glauca (2n = 176), S. phylicifolia (2n = 88), S. livida (2n = 44) und S. triandra (2n = 44) und 88) gefunden. Nach Wilkinson (1944) bleiben Chromosomenbruchstücke bei Salix auch bei sexueller Vermehrung erhalten. Die auch unter dem Namen S. americana hort. bekannte Flechtweide S. cordata wurde etwa 1880 als männliche Pflanze aus den USA in Europa eingeführt und seither ausschließlich vegetativ vermehrt. Wo S. cordata sich selbst überlassen ist, kann sie sich durch Bewurzeln von niedergedrückten Zweigen hexenringartig ausbreiten und größere Riedflächen besiedeln. Dem unvoreingenommenen Betrachter mag dann die in der "Flora der Schweiz" (Hess et al. 1976) nicht erwähnte S. cordata auf den ersten Blick als ein Bastard S. triandra × purpurea erscheinen. Nach Löve u. Löve (1975) können Chromosomenbrüche bevorzugt bei alten Pflanzen auftreten. Da eine über 100 Jahre ausschließlich vegetativ vermehrte Pflanze physiologisch ebenfalls als alt angesehen werden muß, würde es sich lohnen, in anderen Teilen Europas nach S. cordata mit 2n=44 zu suchen. Ob die von Wilkinson untersuchte Pflanze aus Europa oder den USA stammt, geht aus seiner Arbeit leider nicht hervor. Bei meinen Untersuchungen an Weiden habe ich bisher nur eine Pflanze mit 2n = 42-44 Chromosomen gefunden.

In allen untersuchten Zellen waren zwei ungewöhnlich kurze, offensichtlich homologe Chromosomen zu sehen. Es handelt sich um eine noch unbestimmte, weibliche Pflanze aus dem Langtang-Hochtal in Nepal. Sie wird im Wattwiler Salicetum unter der Nummer NpD1 geführt.

Im Rahmen dieser Arbeit wurden viele bereits früher bekannte Zahlen bestätigt, so für S. babylonica 2n = 76 an einer Wildpflanze aus Nepal, S. arenaria 2n = 38, und S. waldsteiniana 2n = 38. S. nigricans Smith ist eine sehr formenreiche Art, welche an verschiedenen Hybridkomplexen beteiligt ist (S. hegetschweileri, S. bicolor und S. nigricans "Valserine", siehe unten). An zwei Pflanzen konnte die bekannte Zahl 2n = 114 mit großer Genauigkeit bestätigt werden. Wie schon andere Autoren feststellten, zeigt S. nigricans in der Meiose ein ähnliches Verhalten wie ein Bastard. In allen Zellen wurden mehrere z.T. kompliziert angordnete Multivalente festgestellt. Nach Neumann (1981) bastardiert S. nigricans in Mitteleuropa mit 20 der insgesamt 34 vorkommenden Salix-Arten in der Natur und hält damit zusammen mit S. aurita den diesbezüglichen Rekord! S. hastata ist eine im ganzen Alpengebiet, in Skandinavien und Teilen Sibiriens verbreitete, außerordentlich variable Art. Zählungen anderer Autoren ergaben mit einer Ausnahme (2n=ca. 110, Material aus Rußland, Bestimmung zweifelhaft) ebenfalls 2n = 38 (nach Neumann und Platschek 1972). Meine Zählungen erfolgten mit Absicht an Pflanzen mit ungewöhnlichen Merkmalen (besonders schmale oder große Blätter, Gartenform), um abzuklären, ob als Stammeltern für S. hegetschweileri (siehe unten) auch eine tetra- oder eine hexaploide Form von S. hastata in Frage käme.

Das wichtigste Ziel der vorliegenden Untersuchungen war die Klärung einiger verwandtschaftlicher Beziehungen in den Hybridkomplexen S. hegetschweileri, S. bicolor und S. nigricans "Valserine", deren Entstehung wahrscheinlich mit dem Rückgang der letzten Vergletscherung einsetzte. Als Untersuchungsmaterial stand vor allem die von Heinrich Oberli in über zwanzigjähriger Arbeit zusammengetragene und gepflegte Pflanzensammlung in Wattwil zur Verfügung (siehe Büchler u. Oberli 1984). Das Hegetschweileri-Problem, aber auch die anderen auf S. phylicifolia und S. nigricans zurückzuführenden Hybridkomplexe nahmen in der Arbeit von Heinrich Oberli eine zentrale Stellung ein. Viele Autoren hatten schon vor ihm erkannt, daß S. hegetschweileri Heer eine sehr kritische Art darstellt. Sie wurde denn auch abwechslungsweise, aufgrund einzelner isolierter Merkmale, immer wieder mit anderen Salix-Arten (S. phylicifolia, S. nigricans und S. hastata) in Verbindung gebracht. Oberli seinerseits zeigte anhand detaillierter morphologischer Untersuchungen, daß im Hegetschweileri-Komplex tatsächlich Erbanlagen aller drei möglichen Stammeltern vorhanden sind und es sich bei dieser Art um einen wahrscheinlich kaum stabilisierten Hybridkomplex handeln muß (vergleiche auch Büchler 1984). Für S. hegetschweileri wurde bis vor einigen Jahren nur die von Neumann u. Polatschek (1972) an einer weiblichen Pflanze aus dem Tirol ermittelte Zahl 2n = 76 bekannt. Erste eigene Untersuchungen wurden an typisch phylicifolia-artigen Pflanzen durchgeführt und ergaben erwartungsgemäß die gleiche Zahl (2n = 114, hexaploid, neu), wie sie für die nordische S. phylicifolia bekannt ist (Löve und Löve 1961). Es zeigte sich, daß auch das ganze Spektrum zwischen S. phylicifolia und S. nigricans var. alpicola diese gleiche Chromosomenzahl aufweist. An Pflanzen mit mehr oder weniger deutlichen hastata-Merkmalen wurde dann die Zahl 2n=76 (tetraploid) bestätigt. Schließlich wurde auch noch eine pentaploide Stufe gefunden. Vermutlich handelt es sich hier um unfruchtbare Bastarde zwischen der tetraploiden und der hexaploiden Stufe. Abb. 2 veranschaulicht die Situation von S. hegetschweileri zwischen den drei angenommenen Elternarten. Die theoretisch mögliche

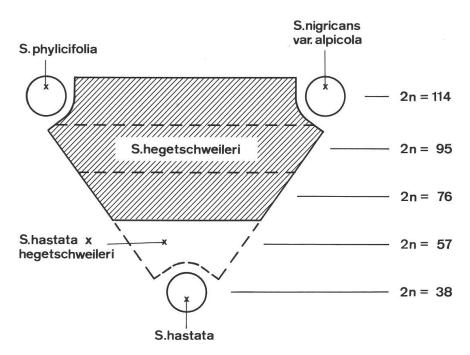


Abb. 2. Salix hegetschweileri als Hybridkomplex zwischen S. phylicifolia, S. nigricans var. alpicola und S. hastata.

triploide Stufe wurde bisher nicht gefunden. Sie wäre sicher nicht fertil und würde von einem Botaniker wahrscheinlich nicht mehr als *S. hegetschweileri* bezeichnet. Eingehende Bestandesaufnahmen im Wattwiler Salicetum und an Originalfundorten zeigten deutlich, daß im *Hegetschweileri*-Komplex zwischen den meisten Merkmalen keine eindeutige Verkopplung festzustellen ist. Oft treten an ein und derselben Pflanze zwar sehr typische Merkmale, aber von zwei oder gar drei der angenommenen Stammeltern gleichzeitig auf (z. B. *phylicifolia*-förmige Blätter mit *hastata*-farbigen, hellgrünen Oberseiten und *hastata*-artigen, großen Nebenblättern). Das Gesamtbild einer einzelnen Pflanze entspricht deshalb meistens nicht dem eines intermediären Bastards, sondern dem einer Pflanze aus einer unstabilisierten Hybridpopulation mit weitgehend zufälliger Merkmalkombination. Da *S. hastata* mit 2n=38 gegenüber den beiden anderen möglichen Stammeltern (2n=114) nur einen bescheidenen Anteil an den Genbestand der Hybridpopulation geliefert hat, ist die Wahrscheinlichkeit für das Auftreten einer stark *hastata*-ähnlichen Pflanze sehr klein (vgl. Abb. 3). Die drei Ploidiestufen lassen sich zum Teil anhand morphologischer Merkmale unterscheiden:

2n=114: Zeigt ausschließlich typische oder vermischte Merkmale von oder zwischen S. phylicifolia und S. nigricans var. alpicola. Typische hastata-Merkmale wie hellere Blattfarbe, matte Blattoberseite und übergroße Nebenblätter fehlen ganz.

2n=95: Zeigt vorwiegend die gleichen Merkmale wie S. hegetschweileri 2n=114. S. hastata-Merkmale sind möglich, aber höchstens schwach entwickelt.

2n=76: Zeigt in der überwiegenden Mehrzahl mindestens andeutungsweise ein oder mehrere hastata-Merkmale. Daneben können gleichzeitig und sogar im Übermaß typische Merkmale von S. phylicifolia- und/oder S. nigricans var. alpicola vorhanden sein.

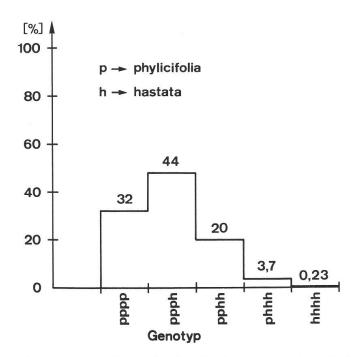


Abb. 3. Theoretische Genotypenhäufigkeit in der F<sub>4</sub>-Generation einer Hybridpopulation aus einer hexaploiden (p) und einer diploiden (h) Art mit zufälliger Paarung.

S. hegetschweileri bildet wie S. nigricans und auch S. bicolor während der Meiose pro Zelle mehrere Multivalente. Die Fertilität des Pollens kann von Pflanze zu Pflanze sehr verschieden sein. In Pollenschlauchkulturen trieben je nach Pflanze 1–70% der Pollen aus.

Wie S. hegetschweileri stammt auch S. bicolor Willd. von der nordischen S. phylicifolia ab. Die neu gefundene Chromosomenzahl 2n = 114 (zwei Pflanzen) paßt deshalb gut in das Bild, das sich Taxonomen seit langer Zeit von dieser Art gemacht haben. Ob auch S. nigricans an der Entstehung von S. bicolor beteiligt war, ist nicht so klar wie bei S. hegetschweileri und durch Chromosomenzählungen weder zu beweisen noch abzustreiten. S. bicolor sollte zytologisch und auch populationsgenetisch noch genauer untersucht werden. Vor allem muß abgeklärt werden, ob die von Polatschek gefundene Zahl 2n = 76 innerhalb der Art eine ebenso große Rolle spielt wie bei S. hegetschweileri, oder ob es sich bei dieser Pflanze um eine seltene Ausnahme gehandelt hat. Während bei S. hegetschweileri die Reduktion der Chromosomenzahl auf 2n = 76 offensichtlich durch Hybridisierung mit S. hastata zustande kam, ist der analoge Vorgang bei S. bicolor weniger einfach zu erklären. Hier können nur morphologische Studien an Pflanzen mit 2n=76 weiterhelfen. Ungeklärt bleibt vorläufig auch das Auftreten von Striemen am nackten Holz. Dieses Merkmal kommt unregelmäßig sowohl bei S. hegetschweileri (alle Ploidiegrade) wie auch bei S. bicolor (2n = 114) vor. In der Meiose zeigt S. bicolor ein ähnliches Bild wie S. hegetschweileri und S. nigricans. In allen untersuchten Zellen wurden während der Metaphase der ersten Reifeteilung zwischen 5 und 9 Multivalente in teilweise sehr komplizierten Anordnungen festgestellt. Es war oft nicht möglich, die Anzahl der daran beteiligten Chromosomen genau zu bestimmen. Schließlich muß noch erwähnt werden, daß es in der Schweiz auf Gros Chadoua im Kt. Fribourg eine Walter Büchler

zytologisch noch nicht untersuchte Weidenpopulation gibt, welche als Übergangsform zwischen S. hegetschweileri und S. bicolor angesehen werden kann.

Im Valserine-Tal des französischen Hochjura wächst eine andere Hybridpopulation, welche Heinrich Oberli in seinen Unterlagen als S. nigricans "Valserine" bezeichnete. Die Beteiligung von S. nigricans Smith manifestiert sich morphologisch durch andeutungsweise andersfarbige Blattspitzen auf der Blattunterseite und leicht schwärzende Blätter beim Trocknen. Die beidseitig zugespitzten Blätter erinnern stark an S. phylicifolia, während die Behaarung der Blattunterseite oft bicolor-artig, parallel zum Hauptnerv nach der Spitze zu ausgerichtet ist. Die nun erstmals an dieser Population bestimmten Chromosomenzahlen von 2n=114 (1 stark nigricans-artige Pflanze) und 2n=76 (2 Pflanzen) weisen darauf hin, daß es sich hier um eine der S. hegetschweileri verwandte Hybridpopulation handeln könnte. Als Stammeltern kommen die hexaploiden Arten (2n=114) S. phylicifolia, S. bicolor und S. nigricans sowie die diploiden Arten (2n=38) S. appendiculata, S. caprea und S. waldsteiniana in Frage. Letztere könnte sehr gut für die stark drüsig gesägten Blattränder verantwortlich sein. Für eine Beteiligung von S. hastata bestehen keine Anhaltspunkte.

Die endgültige Klärung der Herkunft der drei hier besprochenen hybriden Arten S. hegetschweileri, S. bicolor und S. nigricans "Valserine" könnten wahrscheinlich nur biochemische Analysen der pflanzlichen Proteine bringen. Solche Untersuchungen würden die Salix-Forschung um einen großen Schritt vorwärts bringen und nebenbei den seit bald 200 Jahren dauernden Streit um S. hegetschweileri beenden. Gleichzeitig könnten sie auch neues Licht auf die Rolle der Hybridisierung bei der Evolution dieser Gehölzart werfen. Das Salicetum Oberli bietet für solche Untersuchungen vorläufig

noch eine einmalige Gelegenheit!

# Zusammenfassung

Aus der Gattung Salix wurden 18 Arten oder Populationen zytologisch untersucht und dabei 13 bisher nicht bekannte Chromosomenzahlen gefunden. Durch die erstmaligen Zählungen bei den Arten S. serpyllifolia Scop. und S. kitaibeliana Willd. konnten die verwandtschaftlichen Beziehungen innerhalb der Sektion retusae aufgeklärt werden. Für S. hegetschweileri wurden zwei neue Chromosomenzahlen gefunden und damit die Hybriden-Theorie Oberlis (unveröff.) gestützt. Die neuen Resultate für S. glabra Scop., S. crataegifolia Bert., S. bicolor Willd. und eine hybride Population von S. nigricans werden weitere Studien über verwandtschaftliche Beziehungen um die Artengruppen der nigricantes und phylicifoliae erleichtern. Die vorliegende Arbeit soll anschaulich machen, welch einmalige Möglichkeit der Wissenschaft im Salicetum Oberli in Wattwil zur Lösung der noch hängigen Fragen zur Verfügung steht.

Frau G. Oberli-Debrunner danke ich für das Pflanzenmaterial, die leihweise Überlassung der mannigfachen Unterlagen ihres Mannes und die rege Anteilnahme am Fortgang der Arbeit. Ohne ihren unermüdlichen Einsatz bei der Pflege der Pflanzen wäre der Fortbestand dieser einzigartigen Sammlung schon heute gefährdet. Herr Dr. Nogler von der ETH Zürich hat mir manch wertvollen Hinweis zu Präparationsmethoden und zur Interpretation von Meiosen gegeben. Ohne seine immer freundliche Hilfe hätte mich der Mut wohl auf halbem Wege verlassen. Herr J. Straub von der Firma Weidmann u. Sohn hat mich manches Mal und mit viel Zeitaufwand in Fragen der Mikroskop-Optik beraten. Frau E. Ruppert-Bolliger danke ich für die saubere Abschrift meines Manuskriptes und die moralische Unterstützung während der Arbeit.

#### Literaturverzeichnis

Blackburn K. B. and Harrison J. W. H. 1924. A preliminary account of the chromosomes and chromosome behaviour in the Salicaceae. Ann. Bot. 38: 361–378.

Büchler W. und Oberli G. 1984. Weiden-Versuchspflanzung H. Oberli in Wattwil. Unveröffentlicht. Kann als Photokopie bei den Verfassern bezogen werden.

Büchler W. 1984. Salix hegetschweileri Heer. Unveröffentlicht. Kann als Photokopie beim Verfasser bezogen werden.

Håkansson A. 1955. Chromosome numbers and meiosis in certain salices. Hereditas 41: 454–482.

Hess H. E., Landolt E. und Hirzel R., 1976. Flora der Schweiz I: 652-677.

Löve Á. and Löve D. 1961. Chromosome numbers of central and northwest European plant species. Opera Bot. 5: 118–121.

Löve Á. and Löve D. 1975. Plant chromosomes. J. Cramer, Vaduz: S. 43.

Löve Á. 1976. IOPB Chromosome number reports LIII. Taxon 25: 483–500.

Martini F., Paiero P. 1984. Il genere *Salix L*. in Italia. Atti dell' Istituto di Ecologia e Selvicoltura Università degli Studi, Padova III: 160.

Neumann A. 1981. Die mitteleuropäischen Salix-Arten. Mitt. forstl. Bundes-Versuchsanstalt Wien. Österr. Agrarverlag. 134: 51.

Neumann A. und Polatschek A. 1972. Cytotaxonomischer Beitrag zur Gattung Salix. Ann. naturhist. Mus. Wien 76: 612–633.

Oberli H. 1981. Salix myrtilloides L. Zum einzigen schweizerischen Vorkommen dieser Reliktgehölzart im Kanton St. Gallen. Jahrb. St. Gall. Naturf. Ges. B. 81.

Rechinger K. H. 1981. In Hegi: Flora von Mitteleuropa. Band III, Teil 1: S. 54.

Wilkinson J. 1944. The cytology of *Salix* in relation to its taxonomy. Ann. Bot. N. S. 8, No 30/31: 269–284.